

Patrones de translocaciones cromosómicas en leucemias agudas-huellas genéticas del cáncer hematológico

PATRONES CLAVE EN LA LEUCEMIA MIELOIDE AGUA(LMA)

En la LMA, las translocaciones suelen afectar a genes que regulan la diferenciación celular (factores de transcripción core-binding o RAR α), bloqueando la maduración mieloide.

<u>Translocación</u>	<u>Genes Implicados</u>	<u>Proteína de Fusión</u>	<u>Relevancia Clínica y Pronóstico</u>
t(15;17) (q24; q21)	PML y RARA	PML-RARA	Patognomónica de la Leucemia Promielocítica Aguda (LPA). Responde específicamente al Ácido Todo-Trans Retinoico (ATRA) y trióxido de arsénico. Pronóstico favorable.
t(8;21) (q22; q22)	RUNX1 y RUNX1T1	RUNX1-RUNX1T1	Frecuente en LMA con maduración. Clasificada como Leucemia con Factor de Unión Central (CBF). Pronóstico favorable.
inv(16) (p13.1q22) o t(16;16)	CBFB y MYH11	CBFB-MYH11	Asociada a LMA mielomonocítica aguda con eosinófilos anormales. También del grupo CBF. Pronóstico favorable.
Reordenamientos del gen KMT2A (11q23.3)	KMT2A (antes MLL) con múltiples socios (ej. AF9, ENL)	Varía según el socio (ej. KMT2A-MLLT3)	Común en LMA monocíticas y secundarias a topoisomerasa II. Pronóstico generalmente desfavorable.